



# SAMS Information

The University of Tokushima Graduate School, Institute of Health Biosciences,  
Support Center for Advanced Medical Sciences (SAMS)

No.93  
2014/10/6

## CytoScan アレイ解析受託サービスについて

日頃は、総合研究支援センターの運営に対し、ご協力ならびにご支援をいただき有り難うございます。

先端医研では、ヒトゲノムに対応したCytoScan HDあるいは750Kアレイを用いることで、ヒトの先天異常疾患、がん組織、細胞株(癌など)や各種細胞(ESやiPSなど)のゲノムコピー数変化をゲノムワイドにとらえることができます。また、これらのアレイはSNPを検出するプローブを搭載しており、コピー数に変化の無いLOHや片親性ダイソミー(UPD)、同祖的領域(homozygosity mapping)、低レベルのモザイクなどに関連する情報を検出できます。得られたデータは、Affymetrix Chromosome Analysis Suite (ChAS、無償) ソフトを用いて、容易に領域内の遺伝子情報などとともに可視化した解析が可能です。

詳細内容やご不明な点は、先端医研受付(内線 2574)担当足立までお問い合わせください。

- ご用意いただくもの ヒトゲノムDNA 濃度 50 ng/ul 以上(総量 1 ug 以上)
  - \* アガロース電気泳動写真を添付ください (高分子量のシグナルバンドの確認)
- 納期 サンプル受領後 3週間
  - \* 解析が混み合っている場合や機器のトラブル等により予定する納期までに結果を報告できない場合があります。また、アレイ・試薬の納品に別途3週間をいただくことがあります。
- 受託料金

解析可能なアレイの種類	ジェノタイプング可能な SNPプローブ	非多型プローブ	学内受託料金 (アレイ・試薬代込み)
CytoScan® HD Array	約75万個	約190万個	<b>70,000</b> 円/1サンプル
CytoScan® 750K Array	約20万個	約55万個	<b>48,000</b> 円/1サンプル

\* アレイの特徴上、2サンプル以上での依頼になります。1サンプルの場合はお問い合わせください。数研究室でサンプルを集めていただいてもかまいません。

